

RESISTENCIA ANTIMICROBIANA DE CEPAS COMENSALES DE *Escherichia coli* EN NIÑOS DE DOS COMUNIDADES RURALES PERUANAS

Maria C. Alzamora^{1,a}, Andrea C. Echevarría^{1,a}, Valeria M. Ferraro^{1,a}, Maribel D. Riveros^{2,b}, Mara Zambruni^{3,a}, Theresa J. Ochoa^{1,2,a}

RESUMEN

La resistencia a antibióticos es un problema mundial importante. El objetivo de este estudio fue determinar la resistencia a los antibióticos en cepas comensales aisladas de niños sanos de comunidades rurales de Moyobamba y Urubamba en Perú. Este estudio de cohorte identificó 179 cepas de *Escherichia coli* comensales provenientes de 93 niños, seguidos durante seis meses. Trece antibióticos fueron analizados mediante disco difusión. Los mayores índices de resistencia fueron para cotrimoxazol (49,1%), ampicilina (48,0%) y ácido nalidíxico (31,8%). Se encontró un aumento en la resistencia del 11,6% para el ácido nalidíxico y del 6,4% para el cotrimoxazol en este periodo. El 34,0% de los aislados fueron multidrogoresistentes. Este estudio respalda hallazgos previos de resistencia a múltiples fármacos en cepas comensales en comunidades rurales, y destaca el aumento en las tasas de resistencia en el tiempo. Recomendamos estudios en poblaciones más grandes, con un seguimiento más prolongado.

Palabras clave: *Escherichia coli*; Farmacorresistencia Bacteriana; Medio Rural; Pediatría; Perú (fuente: DeCS BIREME).

ANTIMICROBIAL RESISTANCE OF COMMENSAL *Escherichia coli* STRAINS IN CHILDREN OF TWO RURAL COMMUNITIES IN PERU

ABSTRACT

Antibiotic resistance is a major global problem. The objective of this study was to determine antibiotic resistance in commensal strains isolated from healthy children from rural communities of Moyobamba and Urubamba in Peru. This cohort study identified 179 commensal *E. coli* strains from 93 children, followed for six months. Thirteen antibiotics were analyzed by diffusion disk. The highest rates of resistance were for cotrimoxazole (49.1%), ampicillin (48.0%), and nalidixic acid (31.8%). An 11.6% increase in resistance was found for nalidixic acid and 6.4% for cotrimoxazole in this period; while 34.0% of the isolates were multidrug-resistant. This study supports previous findings of multidrug resistance in commensal strains in rural communities and highlights the increased rates of resistance over time. We recommend studies in larger populations with a longer follow-up.

Keywords: *Escherichia coli*; Drug Resistance, Bacterial; Rural Population; Pediatrics; Peru (source: MeSH NLM).

INTRODUCCIÓN

La resistencia a los antibióticos es un problema mundial cada vez más importante, el uso excesivo de antibióticos promueve la generación de cepas resistentes, limitando las opciones terapéuticas disponibles en el campo clínico⁽¹⁾. *Escherichia coli* es una bacteria comensal del tracto gastrointestinal; sin embargo, es capaz de causar infecciones entéricas en niños de países en desarrollo

como el Perú⁽²⁾. Esta bacteria gram negativa juega un papel esencial en el desarrollo de la resistencia endémica general⁽³⁾ y con frecuencia adquiere genes de resistencia al exponerse a la flora normal resistente^(4,5).

La mayor evidencia disponible de resistencia antimicrobiana en nuestro país proviene de zonas urbanas o periurbanas. Sólo un estudio previo evidenció altas tasas de resistencia a los antibióticos en cepas comensales de *E. coli* en niños

¹ Facultad de Medicina, Universidad Peruana Cayetano Heredia. Lima, Perú.

² Instituto de Medicina Tropical Alexander von Humbolt, Universidad Peruana Cayetano Heredia. Lima, Perú.

³ Center for Infectious Diseases, University of Texas Health Science Center at Houston, Houston, Estados Unidos.

^a Médico cirujano, ^b bióloga.

El presente estudio forma parte de la tesis: Alzamora-Schmatz MC, Ferraro-Vidal VM, Echevarría-Rosas Morán AC. Resistencia a los antibióticos de cepas comensales de *E. coli* aisladas en heces de niños sanos de comunidades rurales del Perú. [Tesis de Bachiller]. Lima: Facultad de Medicina, Universidad Peruana Cayetano Heredia; 2018.

Recibido: 13/03/2019 Aprobado: 28/08/2019 En línea: 23/09/2019

Citar como: Alzamora MC, Echevarría AC, Ferraro VM, Riveros MD, Zambruni M, Ochoa TJ. Resistencia antimicrobiana de cepas comensales de *Escherichia coli* en niños de dos comunidades rurales peruanas. 2019;36(3):459-63. doi: <http://dx.doi.org/10.17843/rpmpes.2019.363.4366>.

de Moyobamba⁽⁶⁾. Por este motivo, resulta útil evidenciar la presencia de *E. coli* comensal albergando genes de resistencia en el tracto gastrointestinal en comunidades rurales del Perú y su condición en el tiempo^(3,7-9), datos actualizados pueden ser útiles para generar conciencia sobre el uso racional de antibióticos.

De este modo, el objetivo del presente estudio fue determinar la resistencia a los antibióticos en cepas comensales aisladas de niños sanos de comunidades rurales de Moyobamba y Urubamba en Perú.

EL ESTUDIO

Este estudio es una cohorte prospectiva en el que se analizó a un subgrupo de muestras de un proyecto más extenso en la Sierra y Selva del Perú⁽¹⁰⁾. La población estudiada es una cohorte de 93 niños sanos entre las edades de seis y 13 meses, de Yucay, Huayllabamba y Ccotohuincho, en Urubamba, y Yantalo y Calzada, en Moyobamba. En el estudio principal, se excluyeron a los niños con historia de desnutrición aguda o crónica, enfermedades congénitas, prematuridad o complicaciones neonatales severas. Los niños fueron seguidos durante un total de seis meses, desde diciembre de 2014 hasta inicios de junio de 2015⁽¹⁰⁾. Para el análisis, se utilizaron las muestras obtenidas en la primera semana de recolección del primer mes, a tres meses \pm 15 días y a seis meses \pm 15 días después del inicio del estudio.

El muestreo fue realizado por conveniencia considerando muestras de heces de niños sanos, sin diarrea durante al menos una semana y que no presentaran ningún otro síntoma gastrointestinal. Todos los aislamientos obtenidos identificados como *E. coli* por métodos bioquímicos, fueron sometidos a un PCR en tiempo real para descartar la presencia de genes de virulencia de *E. coli* diarrogénicas

MENSAJES CLAVE

Motivación para realizar el estudio. Es importante tener datos actualizados sobre la resistencia a antibióticos en diferentes poblaciones, incluyendo comunidades rurales, ya que permiten orientar la terapéutica de una manera específica. El análisis de cepas comensales es útil para evaluar la resistencia de una población en general.

Principales hallazgos. Las proporciones de resistencia más altas fueron para cotrimoxazol, ampicilina, ácido nalidíxico y azitromicina, lo que respalda hallazgos de estudios previos en el Perú. Además se encontró un aumento de la resistencia en un periodo de seis meses.

Implicancias. Los altos niveles de resistencia en cepas comensales en niños debería alarmarnos y generar conciencia acerca del uso racional de antibióticos.

(DEC)⁽¹¹⁾. Mediante el método de difusión de disco se analizaron los siguientes antibióticos: amoxicilina-ácido clavulánico (AMC), ampicilina (AMP), azitromicina (AZM), cefotaxima (CTX), cefoxitina (FOX), ceftriaxona (CRO), cefuroxima (CXM), ciprofloxacino (CIP), gentamicina (CN), imipenem (IPM), ácido nalidíxico (NAL), nitrofurantoina (NIT) y cotrimoxazol (SXT). La interpretación de la prueba fue mediante el uso del manual M100-S25 *Performance Standards for Antimicrobial Susceptibility Testing*⁽¹²⁾. La presencia de betalactamasas de espectro extendido (BLEE) y betalactamasas de tipo AmpC fue detectado fenotípicamente por el método de doble disco.

Se determinó el porcentaje de resistencia para cada tipo de antibiótico y se compararon las tasas de resistencia antibiótica entre Urubamba y Moyobamba para cada antibiótico, utilizando la prueba de chi cuadrado.

El presente estudio contó con la aprobación del Comité de Ética de la Universidad Peruana Cayetano Heredia (UPCH).

Tabla 1. Proporción de resistencia y resistencia intermedia total en dos comunidades rurales de Moyobamba y Urubamba.

Antibiótico	Moyobamba (n=99)		Urubamba (n=80)		Todos los niños (n=179)	
	Resistente n (%)	Intermedia n (%)	Resistente n (%)	Intermedia n (%)	Resistente n (%)	Intermedia n (%)
Cotrimoxazol	44 (44,4)	3 (3,0)	44 (55,0)	0	88 (49,1)	3 (1,7)
Ampicilina	47 (47,5)	5 (5,1)	39 (48,8)	1 (1,3)	86 (48,0)	6 (3,4)
Ácido nalidíxico	27 (27,3)	10 (10,1)	30 (37,5)	10 (12,5)	57 (31,8)	20 (11,2)
Azitromicina	17 (17,2)	0	11 (13,8)	0	28 (15,6)	0
Ciprofloxacina	8 (8,1)	2 (2,0)	5 (6,3)	1 (1,3)	13 (7,3)	3 (1,7)
Amoxicilina-ácido clavulánico	7 (6,1)	16 (16,2)	2 (2,5)	2 (2,5)	9 (5,0)	18 (10,1)
Cefuroxima	8 (8,1)	3 (3,0)	1 (1,3)	1 (1,3)	9 (5,0)	4 (2,2)
Cefotaxima	6 (6,1)	2 (2,0)	1 (1,3)	1 (1,3)	7 (3,9)	3 (1,7)
Ceftriaxona	6 (6,1)	1 (1,0)	1 (1,3)	0	7 (3,9)	1 (0,6)
Gentamicina	2 (2,0)	0	4 (5,0)	0	6 (3,4)	0
Nitrofurantoina	3 (3,0)	0	0	1 (1,3)	3 (1,7)	1 (0,6)
Imipenem	0	5 (5,1)	1 (1,3)	1 (1,3)	1 (0,6)	6 (3,4)
Cefoxitina	1 (1,0)	4 (4,0)	0	0	1 (0,6)	4 (2,2)

HALLAZGOS

De los 93 niños que participaron en el estudio, 52 eran de Moyobamba y 41 eran de Urubamba. De las 179 muestras, sólo se recogieron 86 al inicio del estudio, 59 a los tres meses y 34 a los seis meses. Asimismo, se perdieron 19 niños durante el seguimiento ⁽¹⁰⁾.

Se encontraron altos niveles de resistencia a cotrimoxazol (49%), ampicilina (48%) y ácido nalidíxico (32%), mientras que el resto de los antibióticos fueron inferiores al 15%. Además, se encontró que el 11% de las muestras mostraron niveles intermedios de resistencia al ácido nalidíxico, lo que resulta hasta en un 43% de muestras con algún grado de resistencia al mismo (Tabla 1). Excepto por la ampicilina, todos los demás antibióticos mostraron una mayor proporción de resistencia a lo largo del tiempo, aunque las diferencias no fueron estadísticamente significativas. La principal diferencia fue para el ácido nalidíxico (38,4% versus 50,0%) y amoxicilina-ácido clavulánico (8,2% versus 26,5%) (Figura 1).

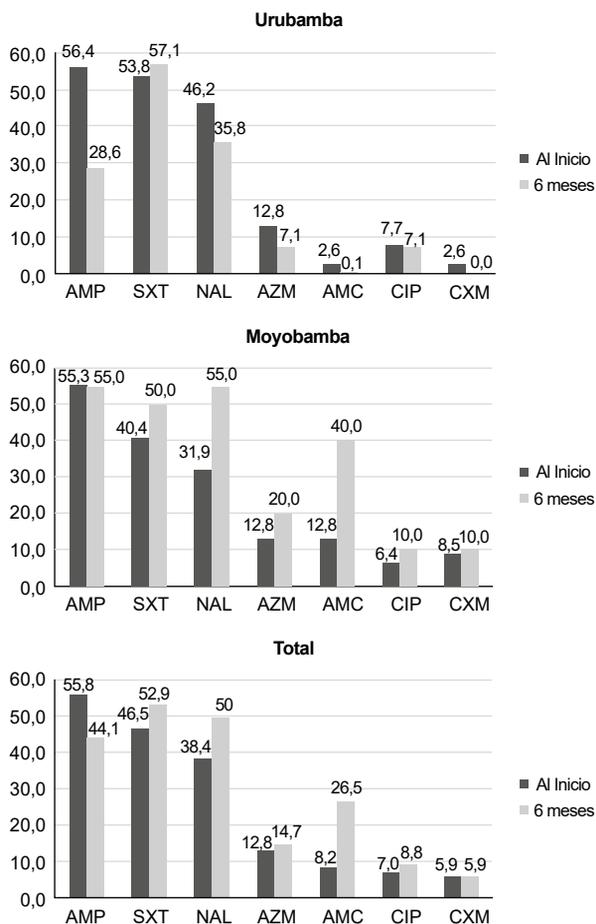


Figura 1. Proporción de resistencia encontrada al inicio y a los seis meses del estudio.

AMP: ampicilina; SXT: cotrimoxazol, NAL: ácido nalidíxico; AZM: azitromicina; AMC: amoxicilina-ácido clavulánico; CIP: ciprofloxacino; CXM: cefuroxima.

Durante los seis meses de vigilancia se detectó que 22 de 59 muestras con datos pareados disponibles, que se reportaron al inicio como sensibles, se reportan más tarde como resistentes al cotrimoxazol, 19 resistentes al ácido nalidíxico, 17 a la ampicilina y 15 a la azitromicina. Hubo un número menor de muestras que cambiaron de sensible a intermedio, e intermedio a resistente (Tabla 2).

Adicionalmente, el 34% de las muestras se clasificaron como multidrogoresistentes, definido como resistencia a tres o más antibióticos. Aunque se encontró 3,9% de resistencia a ceftriaxona, ninguna de ellas cumplió los criterios para clasificarse fenotípicamente como portadoras de BLEE. Sin embargo, hubo una muestra fenotípicamente productora de betalactamasa de tipo AmpC. El patrón de resistencia de ampicilina-cotrimoxazol-ácido nalidíxico fue el más común con 23%, y ampicilina-cotrimoxazol-azitromicina, presente en el 11% de todas las cepas (Tabla 3). Se encontró además una cepa resistente a imipenem, proveniente de Urubamba.

De los 52 niños incluidos en el estudio que vivían en Moyobamba, sólo seis recibieron antibióticos durante el estudio y dos recibieron antiparasitarios. Hubo sólo un caso en el que la exposición a un antibiótico específico estuvo asociado con el desarrollo de resistencia.

DISCUSIÓN

En este estudio, encontramos altas proporciones de resistencia a varios antibióticos comúnmente prescritos en el nivel de atención primaria. Las tasas más altas se encontraron para cotrimoxazol (49,1%), ampicilina (48,0%), ácido nalidíxico (31,8%). Estos resultados fueron consistentes con otros estudios realizados en comunidades rurales de Perú y Bolivia por Bartoloni *et al.* hace diez años, en los que reportó altas tasas de resistencia para cotrimoxazol (94%) y ampicilina (95%) y un valor similar para el ácido nalidíxico (35%) ⁽⁶⁾. La diferencia entre estos resultados probablemente pueda explicarse por el método utilizado para el análisis de muestras; Bartoloni *et al.* utilizaron un método rápido de placa directa en el que se aplicaron los discos de antibiótico directamente en la placa sembrada sin aislamiento previo de la bacteria teniendo una mejor representación de la flora bacteriana intestinal de cada paciente. Por otro lado, Bryce *et al.* reportaron en un meta-análisis una prevalencia de resistencia de 37,6% a ampicilina y 28,6% a cotrimoxazol obtenida de un conjunto de datos de diversos países de manera similar a lo encontrado en este estudio ⁽³⁾. Finalmente, Mosquito *et al.* reportó resistencia para ampicilina (85%), ácido nalidíxico (68%) y cotrimoxazol (60%) en cepas de *E. coli* comensales en Perú ⁽¹³⁾.

Se debe hacer énfasis en la tasa de resistencia significativa encontrada para el ácido nalidíxico, considerando que este es un marcador de resistencia a las quinolonas, para las

Tabla 2. Cambios en la resistencia a antibióticos en Moyobamba y Urubamba.

	Moyobamba (n=32)				Urubamba (n=27)			
	SXT n (%)	NAL n (%)	AMP n (%)	AZM n (%)	SXT n (%)	NAL n (%)	AMP n (%)	AZM n (%)
Sensible a resistente	11 (34,4)	10 (31,3)	9 (28,1)	9 (28,1)	11 (40,7)	7 (25,9)	9 (33,3)	6 (22,2)
Sensible a Intermedia	1 (3,1)	3 (9,4)	0	0	0	1 (3,7)	0	0
Intermedia a Resistente	0	1 (3,1)	1 (3,1)	0	0	1 (3,7)	0	0

SXT: cotrimoxazol; NAL: ácido nalidíxico; AMP: ampicilina; AZM: azitromicina.

cuales se han reportado altas tasas de resistencia en Perú, como en el estudio Pons *et al.* en el que encontró una tasa de 32% para ácido nalidíxico y 12,2% para ciprofloxacino en niños de zonas periurbanas de Lima ⁽¹⁴⁾, así como en el estudio de Montañez *et al.* quienes encontraron datos de resistencia a ciprofloxacino entre 31% y 69,8% en *E.coli* causantes de infecciones del tracto urinario a lo largo de los años ⁽¹⁵⁾. Además, Mosquito *et al.* reportó que las cepas comensales mostraron tasas de resistencia significativamente mayores a quinolonas que las cepas con genes de virulencia para DEC. Estos antibióticos se usan comúnmente en infecciones bacterianas gastrointestinales, del tracto urinario e incluso respiratorio; sin embargo, la mayoría de las infecciones que se observan en niños menores de dos años se deben a etiologías virales.

Los resultados también mostraron un aumento de las proporciones de resistencia en el tiempo para casi todos los antibióticos (Tabla 1) (Figura 1). Aunque los datos obtenidos no fueron estadísticamente significativos, existe una clara tendencia ascendente, que podría analizarse en estudios futuros con una población más grande. Esto podría explicarse por la exposición a antibióticos en otros miembros de la familia, en los alimentos y el agua, y la transmisión de genes entre las bacterias en el tracto gastrointestinal ⁽³⁾.

Otro hallazgo importante fue el porcentaje de cepas multidrogoresistentes (34%). El patrón más común encontrado entre las bacterias multidrogoresistentes fue ácido nalidíxico-ampicilina-cotrimoxazol (NAL-AMP-SXT), antibióticos que todavía se usan empíricamente en el tratamiento de infecciones comunes. Este hallazgo coincide

con lo descrito por Ochoa *et al.* quienes encontraron el patrón de ampicilina-cotrimoxazol en un porcentaje similar en cepas de *E. coli* diarreogénicas en niños menores de un año en Lima ⁽¹⁶⁾. Estos hallazgos reflejan la magnitud del problema encontrado con la resistencia a los antibióticos en las comunidades rurales, así como la necesidad de la vigilancia de las prescripciones de antibióticos por parte de los profesionales de la salud y la automedicación ⁽¹⁷⁾.

Encontramos resistencia a ceftriaxona pero no cepas productoras de BLEE. No obstante, en el estudio realizado por Riveros *et al.* encontraron 87% de BLEE en estas cepas, usando el método de placa directa en las mismas muestras ⁽¹⁸⁾. Por otro lado, se encontró una cepa resistente a carbapenems en Urubamba, lo cual podría marcar una condición emergente que debería ser estudiada.

La principal fortaleza de este estudio fue el aislamiento e identificación de cada cepa de *E. coli* previa al análisis de resistencia. Al hacer esto, se identificaron otras bacterias comensales, como *Klebsiella spp.* La heterogeneidad de las bacterias en las muestras de heces podría alterar las tasas de resistencia encontradas en el estudio de placa directa, como en el llevado a cabo por Bartoloni *et al.* ^(6,9). Otra fortaleza fue la recolección de muestras seis meses después en los mismos niños. Aunque nuestro tamaño de muestra fue relativamente pequeño, es de gran interés encontrar tasas de resistencia crecientes en un periodo de observación tan corto.

Sin embargo, hubo algunas limitaciones importantes. En primer lugar, el tamaño de la muestra fue relativamente pequeño y no se obtuvieron muestras de cepas

Tabla 3. Patrones de resistencia a múltiples fármacos

No. de patrón	Patrón de resistencia a antibióticos	Moyobamba (n=99) n (%)	Urubamba (n=80) n (%)	Total (n=179) n (%)
I	AMP-SXT-NAL	20 (20,2)	21 (26,3)	41 (22,9)
II	AMP-SXT-AZM	10 (10,1)	10 (12,5)	20 (11,2)
III	AMP-SXT-AMC	15 (15,2)	3 (3,8)	18 (10,1)
IV	AMP-SXT-CIP	8 (8,1)	5 (6,3)	13 (7,3)
V	AMP-SXT-NAL-CIP	8 (8,1)	5 (6,3)	13 (7,3)
VI	AMP-SXT-NAL-AMC	11 (11,1)	2 (2,5)	13 (7,3)
VII	AMP-SXT-NAL-AZM	4 (4,0)	8 (10,0)	12 (6,7)
	Resistencia a dos antibióticos	23 (23,2)	16 (20,0)	39 (21,8)
	Resistencia a sólo un antibiótico	14 (14,1)	15 (18,8)	29 (16,2)
	Pan-susceptible	26 (26,3)	20 (25,0)	46 (25,7)

AMP: ampicilina; SXT: cotrimoxazol, NAL: ácido nalidíxico; AZM: azitromicina; AMC: amoxicilina-ácido clavulánico; CIP: ciprofloxacino.

comensales para todos los niños en los intervalos de tiempo establecidos, lo que probablemente explica la falta de significación estadística de los resultados. Asimismo, debido a que la metodología fue creada en base a los objetivos del estudio principal y por tanto, se tenía una muestra limitada, el método de muestreo por conveniencia fue elegido. Esto implica distintos tipos de sesgo debido a la falta de aleatoriedad, representatividad de la población y estimación exacta de la tasa de resistencia a antibióticos, por lo que los datos tan sólo indican una tendencia.

En conclusión, este estudio respalda hallazgos previos de resistencia en cepas comensales, inclusive de cepas multiresistentes en comunidades rurales en el Perú y el aumento en las proporciones de resistencia a lo largo del tiempo. Asimismo, se podría incluir el impacto del uso de antibióticos en estos cambios. Recomendamos el desarrollo de más estudios que evalúen los cambios en la resistencia a lo largo del tiempo en poblaciones más grandes ya que

encontramos una tendencia sorprendentemente ascendente durante un corto periodo de seis meses en nuestro estudio.

Contribuciones de autoría: MA, AE y VF: conceptualización y diseño del estudio, diseño de la base de datos, análisis de muestras microbiológicas, análisis de datos, redacción del manuscrito inicial. MA y AE: revisión y corrección del manuscrito, aprobación de la versión final del manuscrito. VF: aprobación de la versión final del manuscrito. MR, TO, MZ: conceptualización y diseño del estudio, coordinación y supervisión del análisis de muestras microbiológicas, revisión crítica del manuscrito, aprobación de la versión final del manuscrito.

Fuentes de financiamiento: El estudio inicial (Enteropatía y Nutrición) fue financiado por Thrasher Research Funds (Thrasher Award No. 11955) a Mara Zambruni y Theresa J. Ochoa.

Conflictos de interés: los autores declaran no tener conflictos de interés.

Material suplementario: Disponible en la versión electrónica de la RPMEP.

REFERENCIAS BIBLIOGRÁFICAS

1. Estrategia Mundial de la OMS para contener la resistencia a los antimicrobianos. Rev Panam Salud Pública. 2001 Oct;10(4):284-93.
2. World Health Organization. Antimicrobial resistance: global report on surveillance. Geneva, Switzerland: World Health Organization; 2014.
3. Bryce A, Costelloe C, Hawcroft C, Wootton M, Hay AD. Faecal carriage of antibiotic resistant *Escherichia coli* in asymptomatic children and associations with primary care antibiotic prescribing: a systematic review and meta-analysis. BMC Infect Dis. 2016. 25;16:359.
4. Sosa A de J, Byarugaba DK, Amabile C, Hsueh P-R, Kariuki S, Okeke IN. Antimicrobial Resistance in Developing Countries [Internet]. New York: Springer-Verlag; 2010 [citado el 26 de junio de 2019]. Disponible en: <https://www.springer.com/gp/book/9780387893693>
5. Pop-Vicas A, Opal SM. The clinical impact of multidrug-resistant gram-negative bacilli in the management of septic shock. Virulence. 2014;1;5(1):206-12.
6. Bartoloni A, Pallecchi L, Benedetti M, Fernandez C, Vallejos Y, Guzman E, et al. Multidrug-resistant Commensal *Escherichia coli* in Children, Peru and Bolivia. Emerg Infect Dis. 2006;12(6):907-13.
7. Domínguez E, Zarazaga M, Sáenz Y, Briñas L, Torres C. Mechanisms of antibiotic resistance in *Escherichia coli* isolates obtained from healthy children in Spain. Microb Drug Resist Larchmt N. 2002;8(4):321-7.
8. Skurnik D, Le Menac'h A, Zurakowski D, Mazel D, Courvalin P, Denamur E, et al. Integron-Associated Antibiotic Resistance and Phylogenetic Grouping of *Escherichia coli* Isolates from Healthy Subjects Free of Recent Antibiotic Exposure. Antimicrob Agents Chemother. 2005;49(7):3062-5.
9. Bailey JK, Pinyon JL, Anantham S, Hall RM. Commensal *Escherichia coli* of healthy humans: a reservoir for antibiotic-resistance determinants. J Med Microbiol. 2010;59(Pt 11):1331-9.
10. Acosta GJ, Vigo NI, Durand D, Riveros M, Arango S, Zambruni M, et al. Diarrheagenic *Escherichia coli*: Prevalence and Pathotype Distribution in Children from Peruvian Rural Communities. Am J Trop Med Hyg. 2016;95(3):574-9.
11. Guion CE, Ochoa TJ, Walker CM, Barletta F, Cleary TG. Detection of diarrheagenic *Escherichia coli* by use of melting-curve analysis and real-time multiplex PCR. J Clin Microbiol. 2008;46(5):1752-7.
12. Clinical and Laboratory Standards Institute. Performance standards for antimicrobial susceptibility Testing Wayne, PA: CLSI; 2019.
13. Mosquito S, Ruiz J, Pons MJ, Durand D, Barletta F, Ochoa TJ. Molecular mechanisms of antibiotic resistance in diarrhoeagenic *Escherichia coli* isolated from children. Int J Antimicrob Agents. 2012;40(6):544-8.
14. Pons MJ, Mosquito S, Ochoa TJ, Vargas M, Molina M, Lluque A, et al. [Levels of quinolones resistance and other antimicrobial in non-pathogenic *Escherichia coli* strains in children from the periurban area of Lima, Peru]. Rev Peru Med Exp Salud Publica. 2012;29(1):82-6.
15. Montañez-Valverde RA, Montenegro-Idrogo JJ, Arenas-Significación FR, Vásquez-Alva R. Infección urinaria alta comunitaria por *E. coli* resistente a ciprofloxacino: características asociadas en pacientes de un hospital nacional en Perú. An Fac Med. 2015;76(4):385-91.
16. Ochoa TJ, Ruiz J, Molina M, Del Valle LJ, Vargas M, Gil AI, et al. High frequency of antimicrobial drug resistance of diarrheagenic *Escherichia coli* in infants in Peru. Am J Trop Med Hyg. 2009;81(2):296-301.
17. Ecker L, Ruiz J, Vargas M, Del Valle LJ, Ochoa TJ. [Prevalence of purchase of antibiotics without prescription and antibiotic recommendation practices for children under five years of age in private pharmacies in peri-urban areas of Lima, Peru]. Rev Peru Med Exp Salud Publica. 2016;33(2):215-23.
18. Riveros, M. et al. (2016). Detection of ESBL producing *E. coli* isolates among healthy children in Peru. 27th European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases, Vienna, Austria, 2017.

Correspondencia: Theresa J. Ochoa
 Dirección: Universidad Peruana Cayetano Heredia, Honorio Delgado 430 SMP, Lima, Perú.
 Teléfono: +51 319 0000
 Correo electrónico: theresa.ochoa@upch.pe